

## Opérateur LIRE\_MAILLAGE

---

### 1 But

---

Créer un maillage par lecture sur un fichier. Le fichier à lire doit être au format "ASTER" ou au format "MED". Pour les autres formats (IDEAS, GMSH et GIBI), il faut utiliser au préalable les commandes PRE\_IDEAS, PRE\_GMSH ou PRE\_GIBI.

Produit une structure de données de type maillage.

**Remarque importante :**

On peut vérifier la qualité du maillage lu en utilisant (à la suite de LIRE\_MAILLAGE, la commande MACR\_INFO\_MAIL [U7.03.02].

## 2 Syntaxe

---

```
ma [maillage] = LIRE_MAILLAGE

(
  ◇ UNITE = / 20 , [DEFAULT]
              / i , [I]

  ◇ FORMAT = / 'MED' , [DEFAULT]
              / 'ASTER',

  # Si FORMAT='MED'
    ◇ NOM_MED = mamed , [ K*]
    ◇ INFO_MED = / 1, [DEFAULT]
                  / 2,
                  / 3,

  ◇ VERI_MAIL = _F (
    ◇ VERIF = / 'OUI' , [DEFAULT]
              / 'NON' , ),
    ◇ APLAT = / 1.D-3 , [DEFAULT]
              / ap , [R]

  ◇ INFO = / 1 , [DEFAULT]
           / 2 ,

)
```

## 3 Opérandes

### 3.1 Opérande UNITE

◇ UNITE = i

Numéro d'unité logique du fichier maillage. Unité 20 par défaut.

### 3.2 Opérande FORMAT

◇ FORMAT = / 'MED' [DEFAULT]  
/ 'ASTER'

Ce mot clé sert à préciser le format du fichier à lire. Aujourd'hui deux formats sont supportés : 'MED' et 'ASTER'.

Le format 'ASTER' est décrit dans [U3.01.00].

Le format 'MED' qui signifie « Modélisation et Echanges de Données » est un format de données neutre développé par EDF R&D et le CEA pour les échanges de données entre codes de calcul. Les données que l'on peut échanger selon ce format sont les maillages et les champs de résultats : champs aux nœuds, champs par élément. Les fichiers MED sont des fichiers binaires et portables (s'appuyant sur la bibliothèque HDF, Hierarchical Data Format). La lecture d'un fichier MED par LIRE\_MALLAGE, permet de récupérer un maillage produit par tout autre code capable de créer un fichier MED. C'est le format conseillé dans **code\_aster** et celui par défaut.

Quel que soit le format, les données lues sont :

- la liste des nœuds numéro, nom, coordonnées,
- la liste des mailles numéro, nom, type, nom des nœuds,
- la liste des groupes de nœuds numéro, nom, nombre de nœuds, noms des nœuds,
- la liste des groupes de mailles numéro, nom, nombre de mailles, noms des mailles.

**Nota :**

*Dans un fichier MED, il y a partition des nœuds et des mailles en fonction des groupes. Une partition correspond à une famille MED. Dans un fichier MED, les groupes sont répartis au sein des familles : on y trouve donc des familles de nœuds et des familles de mailles. Lors de la lecture d'un fichier MED, les listes des groupes de nœuds et de mailles sont constituées à la volée par décomposition des familles.*

### 3.3 Opérande VERI\_MAIL

Le mot clé VERI\_MAIL déclenche 3 vérifications sur le maillage :

- absence de nœuds orphelins,
- absence de mailles "en double",
- absence de mailles trop aplaties.

Si ces vérifications ne sont pas satisfaites, le code émet une alarme.

Par défaut (c'est-à-dire en l'absence du mot clé VERI\_MAIL), les vérifications sont faites. Si l'utilisateur veut éviter ces vérifications, il écrira :

```
VERI_MAIL = _F (VERIF = 'NON',),
```

Un nœud est déclaré orphelin s'il ne fait partie de la connectivité d'aucune maille.

Une maille est déclarée "en double", si 2 mailles (ou plus) ont des connectivités formées par la même liste de nœuds.

Le mot clé `APLAT = ap` permet d'émettre des alarmes lorsque le maillage contient des mailles trop aplaties.

L'aplatissement d'une maille est définie comme le rapport  $A_{min}/A_{max}$  où  $A_{min}$  et  $A_{max}$  sont les longueurs des arêtes la plus courte et la plus longue de la maille. Le nom des mailles dont l'aplatissement est inférieur à `ap` sera imprimé sur le fichier 'MESSAGE'.

D'autres critères de qualité pour le maillage sont disponibles via la commande `MACR_INFO_MAIL [U7.03.02]`.

## 3.4 Opérandes pour le format 'MED'

◇ `NOM_MED = mamed,`

Un fichier MED peut contenir plusieurs maillages. Chaque maillage est repéré par son nom. Pour lire un maillage en particulier, il faut fournir son nom en argument de ce mot clé `NOM_MED`. En l'absence de mot-clé, le premier maillage trouvé dans le fichier sera lu. Lorsque le fichier ne contient qu'un maillage, il n'y a donc rien à préciser.

◇ `INFO_MED = / 1, [DEFAULT]`  
`/ 2,`  
`/ 3,`

Imprime des informations spécifiques sur le déroulement de la relecture du fichier de maillage MED (nombre de nœuds et de mailles relus, informations sur les familles MED, ...):

- `INFO_MED = 1` : aucune impression,
- `INFO_MED = 2` : uniquement des impressions relatives à la correspondance famille / groupe,
- `INFO_MED = 3` : la totalité des informations sont imprimées.

## 3.5 Opérande INFO

◇ `INFO = / 1 , [DEFAULT]`  
`/ 2 ,`

Niveau d'impression.

Si : `INFO = 1`

- titre du maillage,
- nombre de nœuds,
- nombre de mailles de chaque type,
- nombre de groupes de nœuds et pour chacun d'eux son nom et le nombre de nœuds du groupe
- nombre de groupes de mailles et pour chacun d'eux son nom et le nombre de mailles du groupe.

Si : `INFO = 2` on imprime en plus des informations de `INFO = 1` :

liste des nœuds	numéro, nom, coordonnées,
liste des mailles	numéro, nom, type, nom des nœuds,
liste des groupes de nœuds	numéro, nom, nombre de nœuds, noms des nœuds,
liste des groupes de mailles	numéro, nom, nombre de mailles, noms des mailles.